



PROFIL 1 : Stagiaire en Bioinformatique

DURÉE DE STAGE : 6 mois avec possibilité de poursuivre en thèse

Date de début : 10/02/2020

Date de fin : 31/07/2020

STRUCTURE D'ACCUEIL :

Groupe de Recherche Biotechnologie Appliquée & Bioprocédés environnementaux (GRBA-BE)

Laboratoire Eau, Energie, Environnement et Procédés Industriels

École Supérieure Polytechnique (ESP) | Université Cheikh Anta DIOP (UCAD)

Projet PhylumGRADE : *Dynamique du CRF02_AG, sous-type majoritaire du VIH-1 en Afrique de l'OUEST*

MISSION : Analyse de données de séquences génomiques

Tâches spécifiques :

- Traitement et analyse de données de séquençage
- Développement & mise au point d'outils d'analyses spécifiques
- Représentation graphique de données, interprétations statistiques et biologiques
- Effectuer une recherche bibliographique ciblée

FORMATION :

Vous préparez actuellement une formation de type Bac + 5 dans un des domaines suivants :

Diplôme d'Ingénieur de Conception/Master en Informatique, Master en Bioinformatique, Master en Statistique/Biomathématique, Master en Sciences du vivant ou en Biosciences).

COMPÉTENCES REQUISES :

Vous disposez de solides connaissances ou avez un intérêt prononcé en analyses de données massives de séquençage,

Vous maîtrisez les commandes UNIX et un langage de scripts (Perl, Python, R ...),

Vous êtes reconnu pour votre sens du travail en équipe, votre rigueur et votre motivation,

Vous savez faire preuve d'organisation et êtes capable de travailler de façon autonome,

Vous avez une bonne maîtrise des outils de navigation et de recherche,

Vous avez un bon niveau en anglais.

Si ce profil est le votre, merci de nous faire parvenir votre candidature au plus tard le 31/01/2020.

DOSSIER DE CANDIDATURE :

- Votre CV (01 page maximum,
- Une lettre de motivation,
- Deux lettres de recommandation,
- Deux derniers relevés de notes.

CONTACTS :

malick.diouara@ucad.edu.sn

et en Cc

idy.diop@esp.sn

diallo.abdoulaye@uqam.ca

Références bibliographiques :

1. Remita MA, Halioui A, Diouara AAM, Daigle B, Kiani G, Diallo AB. A machine learning approach for viral genome classification. BMC Bioinformatics. 2017 ; 18 (1):208.
2. Diouara AAM, Ndiaye HD, Guindo I, Bangoura N, Cisse M, Edmond T, et al. (2014). Antiretroviral treatment outcome in HIV-1-infected patients routinely followed up in capital cities and remote areas of Senegal, Mali and Guinea-Conakry. Journal of the International AIDS Society, 17 (1).
3. Diouara AAM, Diop-Ndiaye H, Kebe-Fall K, Tchiakpe E, Ndiaye O, Ayouba A, et al. (2014). Dried blood spots for HIV-1 drug resistance genotyping in decentralized settings in Senegal. Journal of medical virology, 86 (1), 45-51.
4. Diop Ndiaye H, Diouara AAM, Touré Kane C. Origine et diversité génétique du VIH. In "Biologie appliquée de l'infection à VIH et de ses comorbidités en Afrique". Editions : John Libbey, 446 pages, Feb 2015.